

# Исследование решений непрерывно–дискретной модели распространения ВИЧ–инфекции

Н.В. Перцев

Институт математики им. С.Л. Соболева,  
Омский филиал

РГ по биоматематике, ИВМ РАН

Москва, 2015 г.

# 1. Мотивация и цель работы.

ВИЧ–инфекция — одно из опасных социально значимых заболеваний.

Важнейшая задача — предотвращение распространения ВИЧ–инфекции среди населения регионов РФ.

В докладе представлен вариант модели распространения ВИЧ–инфекции, учитывающей:

- а) несколько групп индивидуумов и несколько регионов РФ;
- б) скачкообразные изменения численностей групп в дискретные моменты времени.

ЦЕЛЬ РАБОТЫ: нахождение соотношений на параметры модели, при которых получаемые решения интерпретируются как

- искоренение ВИЧ–инфекции,
- низкий уровень числа ВИЧ–инфицированных индивидуумов.

В основу работы положена модель распространения ВИЧ–инфекции, разработанная А.А. Романюхой и Е.А. Носовой, и многомерный вариант этой модели, предложенный Н.В. Перцевым с соавторами (см. Список литературы).

## 2. Базовая модель и некоторые свойства ее решений.

Население регионов РФ — индивидуумы старше 14 лет, представим в виде групп

$$S : S_{11}, \dots, S_{1\ell}, \dots, S_{m1}, \dots, S_{m\ell},$$

$$I : I_{11}, \dots, I_{1\ell}, \dots, I_{m1}, \dots, I_{m\ell}.$$

В группы  $S$  входят восприимчивые к ВИЧ индивидуумы старше 14 лет, проживающие в нескольких регионах и различающиеся по уровню социальной дезадаптации (адаптации).

Группы  $I$  используются для описания ВИЧ-инфицированных индивидуумов с учетом указанной специфики.

Всего регионов  $m$ , отдельных групп  $\ell$ , общее число групп  $n = m \ell$ .

Обозначим через  $x_i(t)$ ,  $y_j(t)$  численности индивидуумов групп  $S$ ,  $I$  в момент времени  $t$ ,  $1 \leq i, j \leq n$  (используется «сквозная» нумерация групп).

Система уравнений базовой модели в покомпонентной форме

$$\frac{dx_i(t)}{dt} = \sum_{k=1, k \neq i}^n \gamma_{ki} x_k(t) - \sum_{k=1}^n \gamma_{ik} x_i(t) - \sum_{j=1}^n \beta_{ij} y_j(t) x_i(t) + f_{S_i}(t), \quad (1)$$

$$\frac{dy_i(t)}{dt} = \sum_{k=1, k \neq i}^n \alpha_{ki} y_k(t) - \sum_{k=1}^n \alpha_{ik} y_i(t) + \sum_{j=1}^n \beta_{ij} y_j(t) x_i(t), \quad t \geq 0, \quad (2)$$

$$x_i(0) = x_i^{(0)} \geq 0, \quad y_i(0) = y_i^{(0)} \geq 0, \quad 1 \leq i \leq n, \quad (3)$$

$\gamma_{jk} \geq 0$ ,  $k \neq j$ ,  $\gamma_{jj} > 0$ ,  $\alpha_{jk} \geq 0$ ,  $\alpha_{jj} > 0$ ,  $\beta_{ij} \geq 0$ ,  $\beta_{i1} + \dots + \beta_{in} > 0$ ,

функции  $f_{S_j}(t)$  неотрицательны, непрерывны и ограничены на  $[0, \infty)$ .

Система уравнений базовой модели в векторной форме

$$\frac{dx(t)}{dt} = Ax(t) - D(x(t))By(t) + f_S(t), \quad (4)$$

$$\frac{dy(t)}{dt} = Ly(t) + D(x(t))By(t), \quad t \geq 0, \quad (5)$$

$$x(0) = x^{(0)}, \quad y(0) = y^{(0)}, \quad (6)$$

$$x(t) = (x_1(t), \dots, x_n(t))^T, \quad y(t) = (y_1(t), \dots, y_n(t))^T, \quad f_S(t) = (f_{S_1}(t), \dots, f_{S_n}(t))^T,$$

$$A = (a_{ij}), \quad a_{ii} = -\sum_{k=1}^n \gamma_{ik} < 0, \quad a_{ik} = \gamma_{ki} \geq 0, \quad 1 \leq i, k \leq n, \quad k \neq i,$$

$$L = (l_{ij}), \quad l_{ii} = -\sum_{k=1}^n \alpha_{ik} < 0, \quad l_{ik} = \alpha_{ki} \geq 0, \quad 1 \leq i, k \leq n, \quad k \neq i,$$

$$B = (\beta_{ij}), \quad D(x(t)) = \text{Diag}(x_1(t), \dots, x_n(t)).$$

Используем следующие определения (более детально, см. Дополнение 1).

- Неравенства между векторами из  $R^n$  понимаются покомпонентно.
- Пусть для квадратной матрицы  $S = (s_{ij})$  выполнены условия:
  - 1) элементы  $s_{ij} \leq 0$  для всех  $i \neq j$ ,
  - 2)  $S^{-1}$  существует и неотрицательна.

Такая матрица  $S$  называется невырожденной M-матрицей.

УТВЕРЖДЕНИЕ 1. Пусть существует  $f^{(*)} \in R^n$ ,  $f^{(*)} > 0$ , такой, что

$$f_S(t) \leq f^{(*)}, \quad 0 \leq t < \infty.$$

Обозначим:  $u^{(*)} = (-A)^{-1}f^{(*)} > 0$ ,  $H^{(*)} = (h_{ij}^{(*)}) = -(L + D(u^{(*)})B)$ ,  $h_{ij}^{(*)} \leq 0, i \neq j$ .

Примем, что  $x^{(0)} \leq u^{(*)}$  и  $H^{(*)}$  является невырожденной M-матрицей.

Тогда для решения  $x(t)$ ,  $y(t)$  задачи Коши (4)–(6) имеют место соотношения

$$0 \leq x(t) \leq u^{(*)}, \quad 0 \leq y(t) \leq \eta e^{-\gamma t}, \quad 0 \leq t < \infty, \quad (7)$$

где  $\eta \in R^n$ ,  $\eta > 0$ ,  $\gamma \in R$ ,  $\gamma > 0$  представляют собой решение некоторой системы неравенств (см. Дополнение 2).

В частности, если  $H^{(*)}$  — неразложимая матрица, то:

$(-\gamma) = \lambda_* < 0$  — перрон корень матрицы  $(-H^{(*)})$ ,

$\eta = \eta^{(*)} > 0$  — соответствующий правый собственный вектор,

«растянутый» с учетом компонент начального вектора  $y^{(0)}$ .

### 3. Модифицированная модель и некоторые свойства ее решений.

Полагаем, что численности групп индивидуумов могут меняться скачкообразно.

Изменения могут происходить в некоторые дискретные моменты времени и обусловлены следующими факторами:

- сезонная миграция индивидуумов;
- резкое изменение социально-экономических условий, направление на лечение хронических алкоголиков и наркоманов, выявление и постановка на учет ВИЧ-инфицированных индивидуумов;
- инфицирование индивидуумов при их кратковременном пребывании в других регионах;
- появление индивидуумов, достигших 14 лет, которые были ВИЧ-инфицированы при рождении;
- и пр.



Пусть последовательность  $\{t_k, \delta(t_k), \varepsilon(t_k)\}$  описывает скачкообразное изменение численностей групп индивидуумов групп  $S, I$  в некоторые моменты времени  $t_k$ :

$$0 < t_1 < t_2 < \dots < t_k < \dots, \quad k = 1, 2, \dots, \quad (8)$$

$$\delta(t_k) = (\delta_1(t_k), \dots, \delta_n(t_k))^T, \quad \varepsilon(t_k) = (\varepsilon_1(t_k), \dots, \varepsilon_n(t_k))^T. \quad (9)$$

Каждая компонента векторов  $\delta(t_k), \varepsilon(t_k)$  может принимать как неотрицательные, так и отрицательные значения, но оба вектора вместе не являются нулевыми.

Каждый фиксированный промежуток времени  $[a, b)$  либо не содержит точек  $t_k$ , либо содержит конечное число этих точек и, кроме того,  $\lim_{k \rightarrow \infty} t_k = +\infty$ .

Обозначим  $t_0 = 0$  и рассмотрим систему (4), (5) на промежутках  $t \in [t_{k-1}, t_k]$ ,  $k = 1, 2, \dots$ , дополняя ее начальными данными при  $t = t_{k-1}$ .

Под  $dx(t)/dt, dy(t)/dt$  будем понимать правосторонние производные.

Уравнения модифицированной модели имеют следующий вид.

Пусть  $t \in [t_0, t_1]$ :

$$x^{(1)}(t_0) = x^{(0)}, \quad y^{(1)}(t_0) = y^{(0)}, \quad (10)$$

$$\frac{dx^{(1)}(t)}{dt} = Ax^{(1)}(t) - D(x^{(1)}(t))By^{(1)}(t) + f_S(t), \quad (11)$$

$$\frac{dy^{(1)}(t)}{dt} = Ly^{(1)}(t) + D(x^{(1)}(t))By^{(1)}(t), \quad t_0 \leq t < t_1, \quad (12)$$

$$x^{(1)}(t_1) = x^{(1)}(t_1 - 0), \quad y^{(1)}(t_1) = y^{(1)}(t_1 - 0). \quad (13)$$

Пусть  $t \in [t_1, t_2]$ :

$$x^{(2)}(t_1) = x^{(1)}(t_1) + \delta(t_1) \geq 0, \quad y^{(2)}(t_1) = y^{(1)}(t_1) + \varepsilon(t_1) \geq 0. \quad (14)$$

$$\frac{dx^{(2)}(t)}{dt} = Ax^{(2)}(t) - D(x^{(2)}(t))By^{(2)}(t) + f_S(t), \quad (15)$$

$$\frac{dy^{(2)}(t)}{dt} = Ly^{(2)}(t) + D(x^{(2)}(t))By^{(2)}(t), \quad t_1 \leq t < t_2, \quad (16)$$

$$x^{(2)}(t_2) = x^{(2)}(t_2 - 0), \quad y^{(2)}(t_2) = y^{(2)}(t_2 - 0). \quad (17)$$

И так далее .....

УТВЕРЖДЕНИЕ 2. Пусть выполнены условия Утверждения 1. Тогда

$$0 \leq x^{(1)}(t) \leq u^{(*)}, \quad 0 \leq y^{(1)}(t) \leq \eta e^{-\gamma(t-t_0)}, \quad t \in [t_0, t_1], \quad (18)$$

где вектор  $\eta$  и параметр  $\gamma$  указаны в неравенствах (7).

Примем, что для каждого  $k = 1, 2, \dots$ , верно

$$0 \leq x^{(k)}(t_k - 0) + \delta(t_k) \leq u^{(*)}, \quad y^{(k)}(t_k - 0) + \varepsilon(t_k) \geq 0. \quad (19)$$

Тогда имеют место оценки

$$0 \leq x^{(k)}(t) \leq u^{(*)}, \quad 0 \leq y^{(k)}(t) \leq \eta^{(k)} e^{-\gamma(t-t_{k-1})}, \quad t \in [t_{k-1}, t_k], \quad k = 1, 2, \dots, \quad (20)$$

где вектор  $\eta^{(k)} > 0$  зависит от  $y^{(k)}(t_{k-1})$  и параметра  $\gamma$ .

## 4. Заключение.

В рамках модели проблема сдерживания распространения или полного искоренения ВИЧ-инфекции сводится к анализу матрицы  $H^{(*)} = -(L + \text{Diag}(u^{(*)})B)$ , которая должна быть невырожденной M-матрицей.

Это требование эквивалентно, в частности, выполнению следующих условий:

- а) диагональные элементы матрицы  $H^{(*)}$  положительны;
- б) спектральный радиус матрицы  $H_* = I - (\text{Diag}(h_{11}^{(*)}, \dots, h_{nn}^{(*)}))^{-1}H^{(*)}$  таков, что

$$\rho(H_*) < 1. \quad (21)$$

Таким образом, возникает показатель  $R_0 = \rho(H_*)$ , используемый при стандартных исследованиях моделей эпидемических процессов.

Обращаясь к  $H^{(*)}$ , заметим, что матрица  $(-L)$  по своей структуре является невырожденной M-матрицей. Поэтому можно потребовать:

- «малость» компонент вектора  $u^{(*)} = (u_1^{(*)}, \dots, u_n^{(*)})$ , задающего потенциальную численность индивидуумов групп  $S$  или
- «малость» элементов матрицы  $B$ , описывающих интенсивности контактов индивидуумов групп  $S$  и  $I$ .

Обратимся к модели, предложенной А.А. Романюхой и Е.А. Носовой. В этой модели один регион и по четыре группы индивидуумов в  $S$  и  $I$ :

$S_1, I_1$  – социально адаптированные,  $S_2, I_2$  – находящиеся в группе риска,  $S_3, I_3$  – хронические алкоголики,  $S_4, I_4$  – наркозависимые.

Переходы в группах:  $S_j \longrightarrow I_j, \quad 1 \leq j \leq 4,$

$$S_1 \longrightarrow S_2, \quad S_2 \longrightarrow S_1 \vee S_3 \vee S_4, \quad S_3 \longrightarrow S_2, \quad S_4 \longrightarrow S_2,$$

$$I_4 \longrightarrow I_2, \quad I_3 \longrightarrow I_2, \quad I_2 \longrightarrow I_1.$$

Изучаемая матрица  $H^* =$

$$= \begin{pmatrix} \alpha_{11} - \beta_{11}u_1^{(*)} & -\alpha_{21} - \beta_{12}u_1^{(*)} & -\beta_{13}u_1^{(*)} & -\beta_{14}u_1^{(*)} \\ -\beta_{21}u_2^{(*)} & \alpha_{22} + \alpha_{21} - \beta_{22}u_2^{(*)} & -\alpha_{32} - \beta_{23}u_2^{(*)} & -\alpha_{42} - \beta_{24}u_2^{(*)} \\ -\beta_{31}u_3^{(*)} & -\beta_{32}u_3^{(*)} & \alpha_{32} + \alpha_{33} - \beta_{33}u_3^{(*)} & -\beta_{34}u_3^{(*)} \\ -\beta_{41}u_4^{(*)} & -\beta_{42}u_4^{(*)} & -\beta_{43}u_4^{(*)} & \alpha_{42} + \alpha_{44} - \beta_{44}u_4^{(*)} \end{pmatrix}.$$

Пусть, в частности,  $\beta_{31} = \beta_{32} = 0, \quad \beta_{41} = \beta_{42} = 0, \quad \beta_{13} = \beta_{14} = 0.$

Тогда искомое условие сводится к неравенству  $u_2^{(*)} < C = const,$  где  $u_2^{(*)}$  – потенциальная численность индивидуумов группы риска  $S_2$ : для них возможен переход в социально адаптированные или в социально не адаптированные.

## Дополнение 1.

Неравенства между векторами из  $R^n$  понимаются покомпонентно.

Пусть  $S = (s_{ij})$  —  $n \times n$  вещественная матрица, элементы которой удовлетворяют условию:  $s_{ij} \leq 0$  для всех  $i \neq j$ .

Она называется *невырожденной M-матрицей*, если существует  $S^{-1}$  и матрица  $S^{-1}$  — неотрицательна (все ее элементы неотрицательны).

Следующие утверждения эквивалентны:

- $S$  является невырожденной M-матрицей;
- все угловые миноры  $S$  положительны;
- существует  $\xi \in R^n$ ,  $\xi > 0$  такой, что  $S\xi > 0$ ;
- все собственные числа  $(-S)$  имеют отрицательные вещественные части;
- диагональные элементы матрицы  $S$  положительны и матрица  $G = I - Q^{-1}S$  удовлетворяет условию  $\rho(G) < 1$ , где  $Q = \text{diag}(s_{11}, \dots, s_{nn})$ ,  $\rho(G)$  — спектральный радиус матрицы  $G$ ;
- (всего около 50 эквивалентных свойств).

Пример невырожденной M-матрицы:

$$S = \begin{pmatrix} 1.5 & -1 & 0 \\ -0.8 & 1.2 & -0.1 \\ 0 & -0.2 & 2 \end{pmatrix}, \quad S\xi > 0, \quad \xi = (1, 1, 1)^T.$$

## Дополнение 2.

Запишем

$$H^{(*)} = -(L + D(u^{(*)})B) = Q - L_0, \quad Q = \text{diag}(\ell_{11}, \dots, \ell_{nn}).$$

В силу принятых обозначений  $\ell_{ii} > 0$ ,  $1 \leq i \leq n$ , матрица  $L_0$  неотрицательна.

По условию матрица  $L_0$  не имеет нулевых строк,  $Q - L_0$  является невырожденной M-матрицей.

В оценке (7) искомые  $\gamma \in R$ ,  $\eta \in R^n$  удовлетворяют системе неравенств

$$0 < \gamma < \min\{\ell_{11}, \dots, \ell_{nn}\},$$
$$\eta > 0, \quad \eta \geq y^{(0)}, \quad (Q - L_0 - \gamma I)\eta \geq 0.$$

## Список литературы.

1. Романюха А.А., Носова Е.А. Модель распространения ВИЧ-инфекции в результате социальной дезадаптации. Управление большими системами. Сборник трудов ИПУ РАН. 2011. N.34. С.227–253.
2. Носова Е.А. Модели контроля и распространения ВИЧ-инфекции // Математическая биология и биоинформатика. 2012. Т.7. N.2. С.632–675.
3. Pertsev N.V., Leonenko V.N. Discrete stochastic model of HIV infection spread within a heterogeneous population // Russian Journal of Numerical Analysis and mathematical Modelling. 2012. V.27. N.5, P.459–477.
4. Перцев Н.В., Пичугин Б.Ю., Пичугина А.Н. Исследование асимптотического поведения решений некоторых моделей эпидемических процессов // Математическая биология и биоинформатика. 2013. Т.8. N.1. С.21–48.
5. Перцев Н.В. Применение M-матриц для построения экспоненциальных оценок решений задачи Коши для некоторых систем линейных разностных и дифференциальных уравнений // Математические труды. 2013. Т.16. N.2. С.111–141.
6. Перцев Н.В. Исследование решений математических моделей эпидемических процессов, обладающих общими структурными свойствами // Сибирский журнал индустриальной математики. 2015. Т.18. N.2(62). С.85–98.
7. Ортега Дж., Рейнболдт В. Итерационные методы решения нелинейных систем уравнений со многими неизвестными. М.: Мир, 1975.
8. Berman A., Plemmons R.J. Nonnegative matrices in the mathematical sciences. New York: Academic Press, 1979.
9. Воеводин В.В., Кузнецов Ю.А. Матрицы и вычисления. М.: Наука, 1984.